

# Anmeldung

**Achtung!**  
Neuer Termin: 25. 6. 2009

## Neuer Weg zur TLC/HPTLC-MS Kopplung

~~18. Juni 2009~~ Seminar an der Fachhochschule  
Nordwestschweiz Basel

- Ja, ich melde mich kostenfrei an
- Bringe Chromatogramm zur Untersuchung mit

Name: \_\_\_\_\_  
Firma: \_\_\_\_\_  
Abteilung: \_\_\_\_\_  
Adresse: \_\_\_\_\_  
PLZ/Ort: \_\_\_\_\_  
Fon: \_\_\_\_\_  
Fax: \_\_\_\_\_  
E-Mail: \_\_\_\_\_  
Unterschrift: \_\_\_\_\_

Fax-Rückantwort: 061 461 07 02  
E-mail: juerg.leuenberger@camag.com

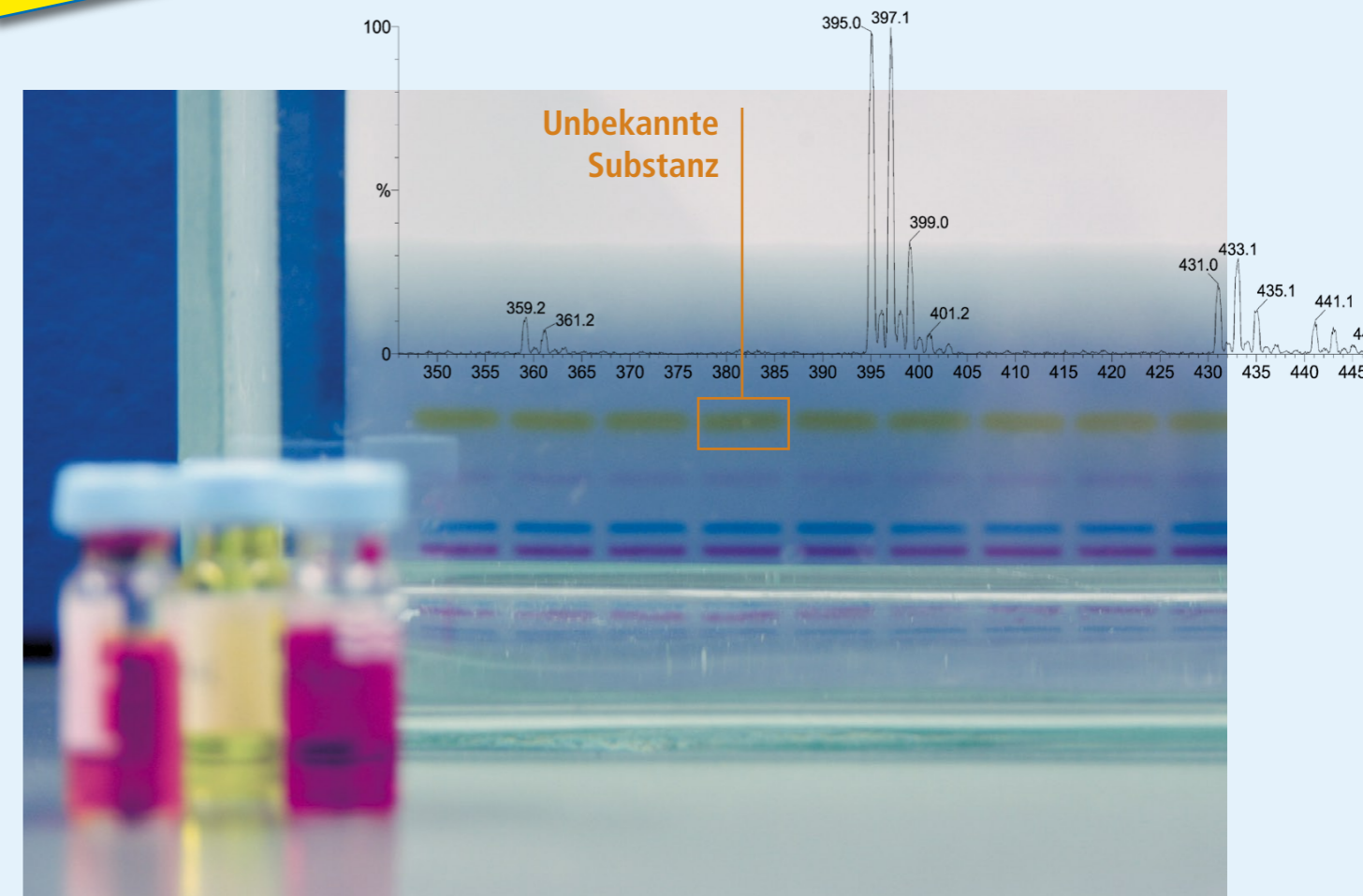
- Die Teilnahme ist kostenlos.
- Die Teilnehmerzahl ist begrenzt.
- Anmeldefrist: 2 Wochen vor Veranstaltungstermin
- Weitere Informationen erhalten Sie nach Ihrer Anmeldung

Ansprechpartner: Herr Jürg Leuenberger  
CAMAG, Sonnenmattstrasse 11, 4132 Muttenz 1  
Telefon 061 467 34 34, Fax 061 461 07 02  
[www.camag.com](http://www.camag.com)

## Neuer Weg zur TLC/HPTLC-MS Kopplung

**Achtung!**  
Neuer Termin: 25. 6. 2009

~~18. 06. 2009~~ Seminar an der Fachhochschule  
Nordwestschweiz Basel



Massenspektren von Zonen  
im Minutentakt mit dem universellen  
CAMAG TLC-MS Interface

Massenspektrometrische Identifizierung planar-chromatographisch getrennter Substanzen ist im Prinzip nichts Neues. Neu ist aber die in den letzten Jahren entwickelte effektive Kopplung der TLC/HPTLC mit der MS.

Basierend auf den Forschungsergebnissen von Dr. Luftmann, Leiter der Abteilung Massenspektrometrie der Westfälischen Wilhelms-Universität in Münster, und Dr. Morlock, Privatdozentin an der Universität Hohenheim in Stuttgart, steht dafür heute eine leistungsfähige semi-automatisierte Lösung zur Verfügung, womit der Analytik insgesamt und speziell der Planar-Chromatographie neue Möglichkeiten eröffnet werden.

Das CAMAG TLC-MS Interface ermöglicht schnelle und kontaminationsfreie Extraktion von TLC/HPTLC-Zonen mit anschließender online Übertragung an das jeweilige Massenspektrometer. Der Vorteil dieses universellen Interface liegt darin, dass es ohne Modifizierung in jedes beliebige HPLC/MS-System plug & play integriert werden kann.

Je nach angeschlossenen Massenspektrometer kann man in einer Minute die Substanz über ihr Massenspektrum identifizieren oder bei unbekanntem Substanzzone die dazugehörige Summenformel erhalten. Die Detektierbarkeit ist vergleichbar zur HPLC-MS, da die gesamte Substanzzone mit ihrem Tiefenprofil extrahiert wird.

Auch kann man interessierende Zonen für weitere Untersuchungen mit z. B. NMR, (ATR-)FTIR, Statisches Nanospray, Direkteinlass-EI-MS und MALDI in ein Vial extrahieren.

**Interessiert? Experten berichten über ihre bisherigen Ergebnisse mit dem Interface. Begleitet wird die Theorie von der analytischen Praxis. Bringen Sie dazu Ihr eigenes Chromatogramm zur Untersuchung mit (nur nach Anmeldung).**

## Programm

- 14:00 Begrüssung
- 14:15 Rolf Rolli, CAMAG  
**Das CAMAG TLC-MS Interface**
- 14:45 Hans-Rudolf Schmutz, Hochschule für Life Sciences Nordwestschweiz  
**HPTLC-MS von pharmazeutischen Wirkstoffen und Pflanzeninhaltsstoffen**
- 15:15 Gerda Morlock, Universität Hohenheim  
**HPTLC-MS in der Lebensmittel- und pharmazeutischen Analytik**
- 15:45 Demonstration der Methode im Labor  
(mit von den Teilnehmern mitgebrachten HPTLC-Platten)
- 16:30 Apéro
- 17:00 Ende der Veranstaltung

